

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**

NON INSERIRE LA FOTOGRAFIA



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome e Cognome

Nicoletta Favale

**ISTRUZIONE
E FORMAZIONE**

- Date (da – a)
2018- in corso
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
Università di Parma
- Qualifica/titolo conseguita e relativa votazione o giudizio
Studente del Corso di Dottorato in Biologia Evoluzionistica ed Ecologia

- Date (da – a)
2011-2016
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
Università degli Studi del Piemonte Orientale
- Qualifica/titolo conseguita e relativa votazione o giudizio
Dottore magistrale in biologia, 110/110 e lode

- Date (da – a)
2007-2011
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
Università degli Studi del Piemonte Orientale
- Qualifica/titolo conseguita e relativa votazione o giudizio
Dottore in Biologia, 110/110

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Ottobre 2011 – Ottobre 2018
EuroSpin -Spesa Intelligente S.p.A.

Commercio
Commessa
Addetta sala e cassa

MADRELINGUA

ITALIANA

ALTRE LINGUE

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

INGLESE

Buono
Buono
Buono

CAPACITÀ E COMPETENZE

TECNICHE

Con computer, attrezzature specifiche, etc.

Ottima conoscenza di tecniche di coltura microbiologica (isolamento, trapianto, mantenimento in coltura, preparazione di terreni, caratterizzazione fisiologica), tecniche di biologia molecolare (PCR, elettroforesi, estrazione e purificazione DNA), tecniche di biologia vegetale (inoculo su semi sterili, crescita di piante in condizioni controllate e in serra).

Conoscenza di base dell'elaborazione statistica di dati attraverso i software StatView e R.

Buona conoscenza dei sistemi operativi Windows e Unix. Esperienza nell'utilizzo di strutture di calcolo ad alte prestazioni. Basi di programmazione in Scratch e Python.

Buone capacità di elaborazione dati provenienti da sequenziatori di seconda e terza generazione (Illumina e Oxford Nanopore technologies), uso di diversi software per l'assemblaggio genomico de novo (Abyss, Canu, SPAdes, Unicycler e Velvet), analisi tassonomica di dati metagenomici (BLASTN).

ALTRO

(PARTECIPAZIONE A CONVEGNI, SEMINARI, PUBBLICAZIONI, COLLABORAZIONI A RIVISTE, ETC. ED OGNI ALTRA INFORMAZIONE CHE IL COMPILANTE RITIENE DI DOVER PUBBLICARE)

Gamalero, E.; Favale, N.; Bona, E.; Novello, G.; Cesaro, P.; Massa, N.; Glick, B.R.; Orozco-Mosqueda, M.C.; Berta, G.; Lingua, G. Screening of Bacterial Endophytes Able to Promote Plant Growth and Increase Salinity Tolerance. Appl. Sci. 2020, 10, 5767.

"Evaluation of different hybrid de novo genome assemblies of *Acinetobacter johnsonii*". **Poster** 8° Congresso della Società Italiana di Biologia Evoluzionistica (SIBE). Padova, 1-4 Settembre

Collaborazione esercitazione di Bioinformatica e analisi dei genomi (Classe LM-8 docente Silvia Fuselli)

Culture al fine dello svolgimento degli esami nel settore scientifico Bio/18

